·CCAGG···

CCTGG TOYOBO販売制限酵素における基質DNAのメチル化の影響

大腸菌に含まれるdam Methylase(GATCの塩基配列中のアデニンのN®をメチル化)やdcm Methylase(CCAGGまたはCCTGGの塩基配列中の2番目のシトシンのC®をメチル化)、制限酵素認識部位MethylaseなどのMethylaseにより制限酵素の認識部位にメチル化された塩基を含んでいる場合、切断が阻害される場合があります。メチル化により切断阻害を受ける酵素と塩基配列を以下に示します。

酵素名	切断される 塩基配列	影響を及ぼす Methylase	切断阻害を受ける 塩基配列	酵素名	切断される 塩基配列	影響を及ぼす Methylase	切断阻害を受ける 塩基配列
Alu I	AGCT	M.Pst I	CTGCÄGCT	<i>Eco</i> RV	GATATC	M.Taq I	TCGATATC
		M.Taq I	TCGAGCT			M.Ban II	ATCGATATC
		M.Mbo II	GAAGÄGCT			M.EcoRV	GÄTATC
		M.Dde I	AGĈTNAG			M.Mbo II	GAAGÄTATC
		M.Alu I	AGĈT	HaeⅢ	ggcc	M.Apa I	GGGCCC
		M.Pvu II(4m)	CAGĈTG			M.XmaⅡ	CGGCCG
Bam H I	GGATCC	M.Sau3A I	GGATĈC			M.Eae I	YGGCCR
		M.Msp I	GGATĈCGG			M.Bal I	TGGCCA
		M.BamH I (4m)	GGATĈC			M.Msp I	GGCCGG
Bcl I	TGATCA	Dam	TGÃTCA			M.Cfr10 I	GGCCGGY
Bgl I	GCCN₄NGGC	M.Apa I	GCCN4GGGCCC			M.Cfr13 I	GGGCC
		M.Xma I	GCCN4CGGCCG			M.Hae II	GGĈC
		M.Eae I	GCCN4YGGCCR	Hinc II	GTYRAC	M.Taq I	GTCGAC
		M.Bal I	GCCN4TGGCCA			M.Hinc II	GTYRAC
		M.Hha I	GCCN₅GGČGC			M.Hpa I	GTTAAC
		M.Msp I	GCCN₅GGCCGG			M.Hha II	GTYGÄCTC
		M.Cfr10 I	GCCN₅GGCCGGY	HindⅢ	ÅAGCTT	M.Hind II	ÄAGCTT
		M.Cfr13 I	GCCN4GGGCC			M.Taq I	TCGÄAGCTT
		M.Dde I	GCCN₅GGCTNAG			M.Mbo II	GAAGÄAGCTT
		M.Hae II	GCCN₅GGCC			M.Dde I	AAGÖTTAG
Bg/Ⅱ	ÅGATCT	M.Sau3A I	AGATÖT			M.Alu I	AAGĈTT
		M.Dde I	AGATĈTNAG	Hinf I	G [→] ANTC	M.Taq I	TCGÄNTC
Dde I	C [†] TNAG	M.Sau3A I	GATĈTNAG			M.Ban II	ATCGÄTTC
		M.Dde I	®TNAG			M.Hinc II	GTYGACTC
		M.Alu I	AGĈTNAG			M.Hha II	GÄNTC
Dpn I	CH₃	M.Sau3A I	GATĈ			M.Mbo II	GAAGÄNTC
	GATC	M.Msp I	GATĈCGG	Msc I	TGGCCA	Dcm	TGGCCAGG
		M.Dde I	GATĈTNAG			M.Bal I	TGGCCA
		M.BamH I (4m)	GGATĈC			M.Eae I M.Hae II	
		M.Pvu I (4m)	CGATCG	Nhe I	GCTAGC	M.Hha I	GCTAGCGC
EcoR I	GAATTC	M.EcoR I	GÄATTC			M.Msp I	GCTAGCCGG
		M.Mbo II	GAAGÄATTC			M.Chr10 I	GCTAGCCGGY
		M.Dde I	GAATTĈ TNAG			M.Dde I	GCTAGCTNAG
		M.Msp I	GAATTĈ CGG			M.Alu I	GCTAGCT

酵素名	切断される 塩基配列	影響を及ぼす Methylase	切断阻害を受ける 塩基配列	酵素名	切断される 塩基配列	影響を及ぼす Methylase	切断阻害を受ける 塩基配列
Not I	eceeccec	M.Xma II M.Eae I	GCGGCCGC	Spe I	ACTAGT	M.Taq I	TCGÄCTAGT
		M.Hae II				M.Hinc II	GTYRÄCTAGT
Pst I	CTGCAG	M.Pst I	CTGCÄG			M.Hpa I	GTTAACTAGT
		M.Sau3A I	GATĈTGCAG			M.Mbo II	GAAGÄCTAGT
		M.Alu I	AGĈTGCAG	Xho I	cTCGAG	M.Taq I	CTCGÃG
Pvu I	CGATCG	M.Sau3A I	CGATĈG			M.Hha II	CTCGÄGTC
		M.Pvu I (4m)	CGATĈG			M.Sau3A I	GATĈTCGAG
PvuⅡ	CAGCTG	M.Dde I	CAGĈTGAG			M.Alu I	AGĈTCGAG
		M.Alu I	CAGĈTG				
		M.Pvu II(4m)	CAGĈTG				
Sac I	GAGCTC	M.Dde I	GAGĈTCAG				
		M.Alu I	GAGĈTC				
SacI	ccecee	M.Sau3A I	GATCCGCGG				
		M.Xma I	CGGCCGCG				
		M.Eae I	YGGCCGCGG				
		M.Cfr13 I	GGNCCGCGG				
		M.Hae II	GGCCGCGG				
Sal I	G [†] TCGAC	M.Taq I M.Hinc II	GTCGAC				
		M.Hha I	GTCGACTC				
Sfi I	GGCCNNNNNGGCC	Dcm	GGCCWGGNNGGCC				
		CG Methylase	GGCCGNNNCGGCC				
Sma I	cccede	M.Sau3A I	GATĈCCGGG				
		M.Apa I	GGGCCCGGG				
		M.HpaI M.SmaI	CCCGGG				
		M.Cfr13 I	GGNÖCCGGG				
		M.Hae II	GGCCCGGG				
		M.BamH I (4m)	GGATCCCGGG				
		M.Bcn I (4m)	CCCGGG				

1:C. Kessler et al., *Gene*, **33**: 1 – 102 (1985) 2:M. Nelson et al., *Nucl. Acids Res.*, **12**: 5165–5173 (1984) ※Methylaseの後の(4m)は、メチル化された塩基がC-4-Methylcytosineであることを示します。

**Single Letter Code
R=A/G Y=C/T M=A/C K=G/T
S=C/G W=A/T H=A/C/T B=C/G/T
V=A/C/G D=A/G/T N=A/C/G/T

_____ 既に販売中止の製品を含んでいる可能性がございます。
