

Store at -20°C

BamH I

Code No. **BAH-1****

Lot No. *********

Size : 3,000 units(BAH-111T), 12,000 units(BAH-111)
50,000 units(BAH-155)

Source : *Bacillus subtilis* MT-2 (pBamH I RM22)

Concentration : ****** units/μl

Unit Definition : One unit is defined as the amount of enzyme required to completely digest 1 μg of λ-DNA in 1 hr at 37°C in 50 μl of assay buffer.

Storage Buffer : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
50 mM KCl
1 mM Dithiothreitol
0.1 mM EDTA
500 μg/ml Bovine serum albumin
50 % (V/V) Glycerol

Assay Buffer : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
7 mM MgCl₂
150 mM KCl
7 mM 2-Mercaptoethanol

Reaction Buffer (Attached) : H Buffer (x10 Concentration)
500 mM Tris-HCl(pH7.5)
100 mM MgCl₂
1,000 mM NaCl
10 mM Dithiothreitol

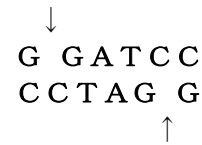
Overdigestion : When 19 units of enzyme was incubated with 1 μg of λ-DNA for 16 hrs at 37 °C in 50 μl of assay buffer, a normal and sharp pattern was shown on an agarose gel electrophoresis.

Ligation and Recutting : After digestion of pBR322 by 6 units of enzyme for 16 hrs at 37°C, 90 % of the fragment was ligated with T4 DNA Ligase. 95 % of the ligated DNA could be recut under the standard conditions.

Note : ① Compatible cohesive ends: Bcl I ,Bgl II ,Mbo I ,Sau3A I ,Xho II
② Star activity: under high enzyme concentration, low salt concentration.
③ Enzyme quantity cutting each DNA [1μg]

λ-DNA	pBR322	pUC19	M13mp18	(U)
1	2	3~5	3~5	

Recognition Sequence



BamH I

Code No. **BAH-1****

Lot No. *********

包装 : 3,000 units(BAH-111T), 12,000 units(BAH-111)
50,000 units(BAH-155)

起源 : *Bacillus subtilis* MT-2 (pBamH I RM22)

濃度 : ****** units/μl

活性の定義 : 下記反応液組成において、反応液量 50 μl, 37°C, 60 分間に基質 λ-DNA 1 μg を完全に分解するために必要な酵素量を 1 単位とする。

形状 : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
50 mM KCl
1 mM Dithiothreitol
0.1 mM EDTA
500 μg/ml Bovine serum albumin
50 % (V/V) Glycerol

反応液組成 : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
7 mM MgCl₂
150 mM KCl
7 mM 2-Mercaptoethanol

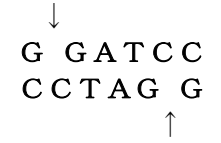
添付バッファー : Hバッファー (10 倍濃度)
500 mM Tris-HCl(pH7.5)
100 mM MgCl₂
1,000 mM NaCl
10 mM Dithiothreitol

過剰テスト : 19 units の本酵素を上記反応条件にて 16 時間反応させても DNA フラグメントの電気泳動パターンに変化は認められない。

Ligation /Recutting 効率 : 96 倍の酵素で切断した pBR322 フラグメントの 90% が T4 DNA Ligase で Ligation し、そのうち 95% が本酵素で切断される。

特記事項 : ① Compatible Sits: Bcl I ,Bgl II ,Mbo I ,Sau3A I ,Xho II の切断部位と連結できます。
② メチル化の影響: **G GAT[Ⓜ] C C** は切断されません。
③ Star 活性: 高酵素濃度, 高 Glycerol 濃度, 低塩濃度下では認識配列が甘くなることがあります。
④ 以下の DNA 1 μg の完全分解に必要な酵素量(Unit)

認識配列



λ-DNA	pBR322	pUC19	M13mp18
1	2	3~5	3~5