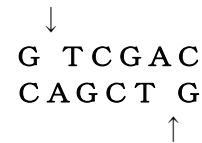


Store at -20°C

Sal I

Recognition Sequence

Code No. **SAL-1****



Lot No. *****

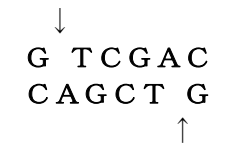
- Size : 1,000 units(SAL-111T), 5,000 units(SAL-111)
25,000 units(SAL-162)
- Source : *Streptomyces albus* G
- Concentration : ***** units/μl
- Unit Definition : One unit is defined as the amount of enzyme required to completely digest 1 μg of λ-DNA in 1 hr at 37°C in 50 μl of assay buffer.
- Storage Buffer : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
400 mM KCl
1 mM Dithiothreitol
0.1 mM EDTA
500 μg/ml Bovine serum albumin
50 % (V/V) Glycerol
- Assay Buffer : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
7 mM MgCl₂
150 mM NaCl
7 mM 2-Mercaptoethanol
- Reaction Buffer (Attached) : H Buffer (x10 Concentration)
500 mM Tris-HCl(pH7.5)
100 mM MgCl₂
1,000 mM NaCl
10 mM Dithiothreitol
- Overdigestion : When 13 units of enzyme was incubated with 1 μg of λ-DNA for 16 hrs at 37 °C in 50 μl of assay buffer, a normal and sharp pattern was shown on an agarose gel electrophoresis.
- Ligation and Recutting : After digestion of pBR322 by 4 units of enzyme for 2 hrs at 37 °C, 90% of the fragment was ligated with T4 DNA Ligase. 95% of the ligated DNA could be recut under the standard conditions.
- Note : ① Star activity: under high enzyme or high glycerol concentration, in DMSO solution
② Compatible cohesive ends: Ava I, Xho I
③ Enzyme quantity cutting each DNA [1 μg]

λ-DNA	pBR322	pUC19	M13mp18	(U)
1	10	20	20	

Sal I

認識配列

Code No. **SAL-1****



Lot No. *****

- 包装 : 1,000 units(SAL-111T), 5,000 units(SAL-111)
25,000 units(SAL-162)
- 起源 : *Streptomyces albus* G
- 濃度 : ***** units/μl
- 活性の定義 : 下記反応液組成において、反応液量 50 μl, 37°C, 60 分間に基質 λ-DNA 1 μg を完全に分解するために必要な酵素量を 1 単位とする。
- 形状 : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
400 mM KCl
1 mM Dithiothreitol
0.1 mM EDTA
500 μg/ml Bovine serum albumin
50 % (V/V) Glycerol
- 反応液組成 : 10 mM Tris-HCl(pH7.5)
7 mM MgCl₂
150 mM NaCl
7 mM 2-Mercaptoethanol
- 添付バッファー : Hバッファー (10 倍濃度)
500 mM Tris-HCl(pH7.5)
100 mM MgCl₂
1,000 mM NaCl
10 mM Dithiothreitol
- 過剰テスト : 13 units の本酵素を上記反応条件にて 16 時間反応させても DNA フラグメントの電気泳動パターンに変化は認められない。
- Ligation /Recutting 効率 : 8 倍の酵素で切断した pBR322 フラグメントの 90% が T4 DNA Ligase で Ligation し、そのうち 95% が本酵素で切断される。
- 特記事項 : ①メチル化の影響: **G T C G A C**, **G T C G A C** は切断されません。
② Star 活性: 高酵素濃度, 高 glycerol 濃度, DMSO 存在下では認識配列が甘くなる場合があります。
③ Compatible sites: Ava I, Xho I の切断部位と連結できます。
④ 以下の DNA 1 μg の完全分解に必要な酵素量 (Unit)

λ-DNA	pBR322	pUC19	M13mp18
1	10	20	20